

Tutti i tumori M - (140-239)

| | | | | |
|---------|-------|-----|-------|-------|
| cluster | p | oss | att | SMR |
| 1 | 0.001 | 406 | 321.4 | 126.3 |

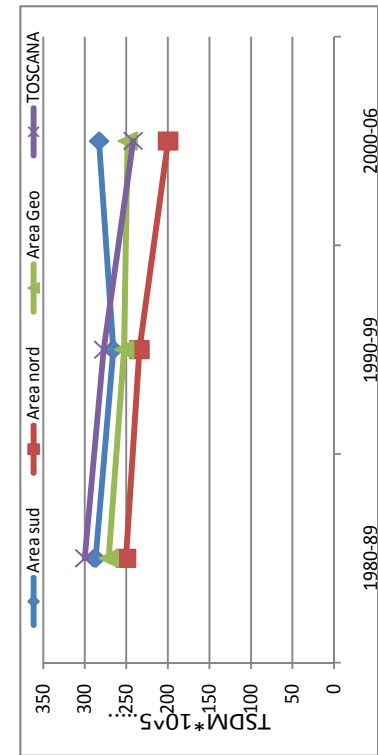


Grafico 6.1.11 - TSDMx10⁵ per periodo e area di studio, rif. Europa.

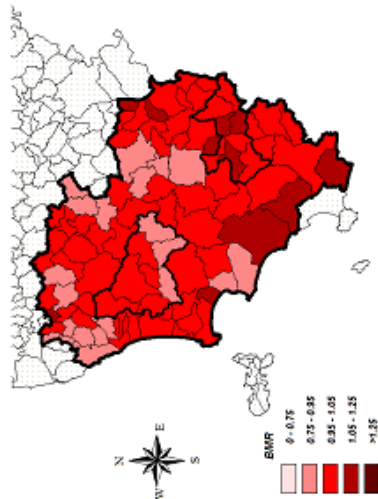


Figura 6.1.9 - Mappa dei BMR in classi, periodo 2000-2006, rif. area 50 km.

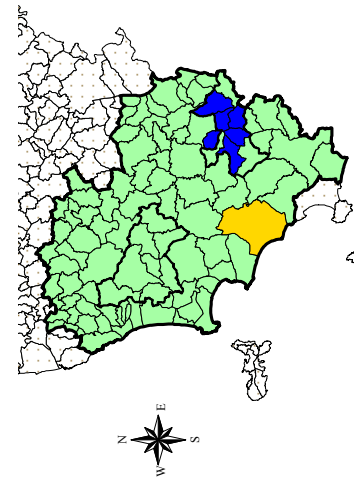


Figura 6.1.10 - Cluster significativi, periodo 2000-2006, rif. area 50 km.

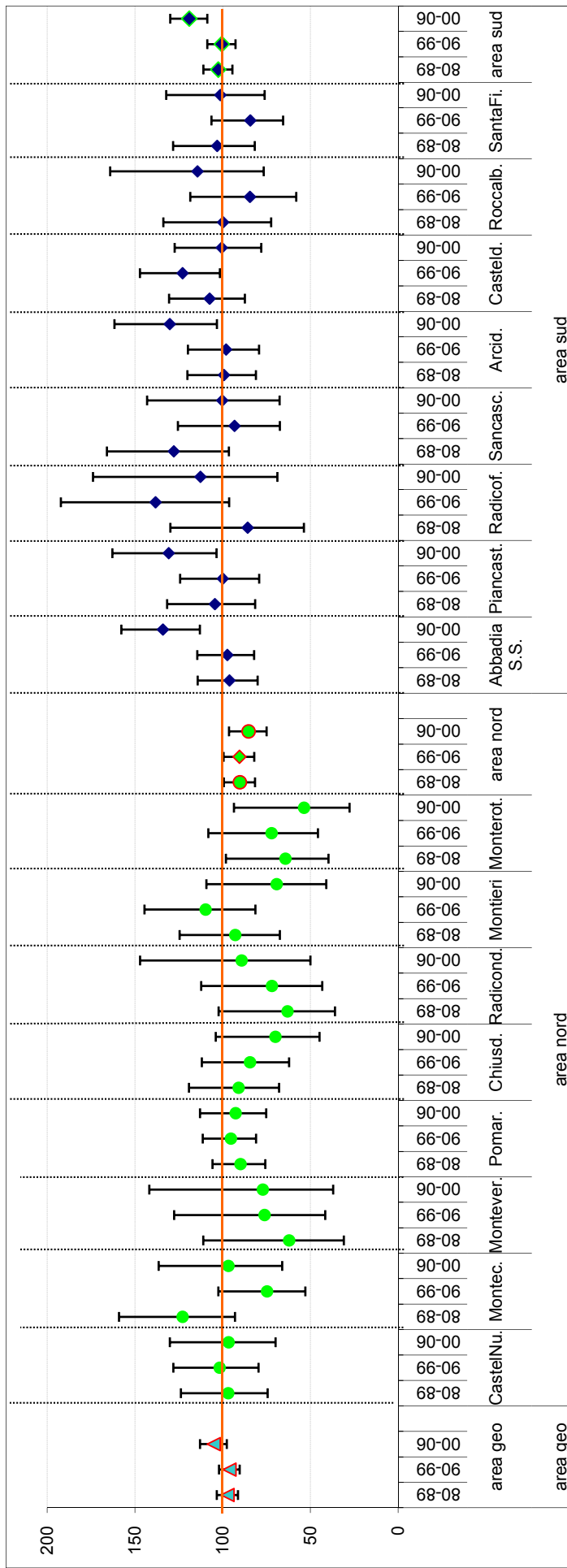


Grafico 6.1.12 - SMR per area/comune in studio e per periodo (1980-1989, 1990-1999, 2000-2006). Rif. area 50 km.

Commento a **Tutti i tumori M – (140-239)**

I tassi standardizzati di mortalità risultano in diminuzione in tutta la regione Toscana e nella zona nord, invece nella zona sud il *trend* è decrescente e si inverte nell'ultimo periodo esaminato.

Nell'area sud si osserva un eccesso statisticamente significativo nell'ultimo periodo del 19% rispetto all'area circostante (O=505, SMR=119,0, LC95%=108,9;129,9) e del 16% rispetto alla regione (SMR=116,2).

Tra i singoli comuni della zona sud emergono eccessi statisticamente significativi dell'ordine del 30% essenzialmente nell'ultimo periodo ad Abbadia San Salvatore (O=144, SMR=134,0, LC95%=113,0;157,7), Piancastagnaio (O=79, SMR=130,7, LC95%=103,5;162,9) e Arcidosso (O=81, SMR=130,1, LC95%=103,3;161,7). Il confronto con tutta la regione indica valori dello stesso ordine (Abbadia San Salvatore SMR=130,6, Piancastagnaio SMR=127,4 e Arcidosso SMR=126,9).

Dalle analisi bayesiane si evidenzia una variabilità della distribuzione spaziale del fenomeno ben strutturata (spiega il 90% della variabilità totale) data da una omogeneità dell'indicatore bayesiano su tutta l'area locale. Il BMR è per la maggior parte dei comuni intorno a 100 ma si nota un aggregato di comuni della zona sud con BMR più elevati. L'unico comune in studio che ha il BMR statisticamente significativo è Abbadia San Salvatore (BMR=115,6) confermando l'eccesso già evidenziato con l'analisi classica.

L'analisi di *clustering* ha messo in evidenza due aggregati di comuni con SMR statisticamente significativo. In uno dei due *cluster* evidenziati sono compresi comuni con SMR maggiore di 100 appartenenti all'area sud:

| AREA | COMUNE | O | A | SMR |
|------------|-----------------------|-----|-------|-------|
| SUD | ABBADIA SAN SALVATORE | 144 | 107,5 | 134 |
| | PIANCASTAGNAIO | 79 | 60,4 | 130,7 |
| | RADICOFANI | 20 | 17,8 | 112,6 |
| | SANTA FIORA | 54 | 53,3 | 101,3 |
| | ARCIDOSSO | 81 | 62,3 | 130,1 |

Tutti i tumori F - (140-239)

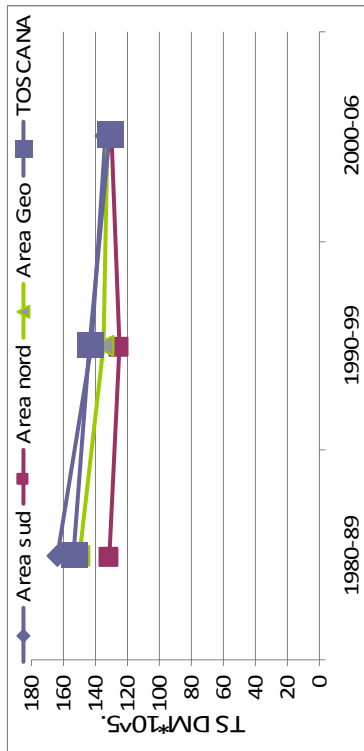


Grafico 6.1.13 - TSD Mx10⁵ per periodo e area di studio, rif. Europa.

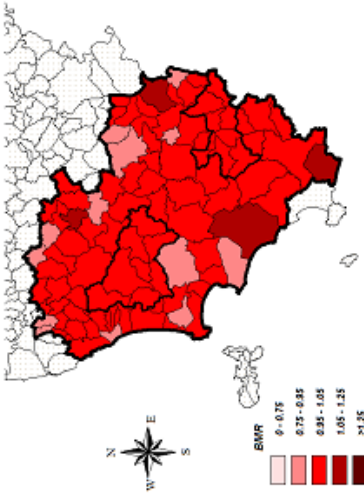


Figura 6.1.11 - Mappa dei BMR in classi, periodo 2000-2006, rif. area 50 km.

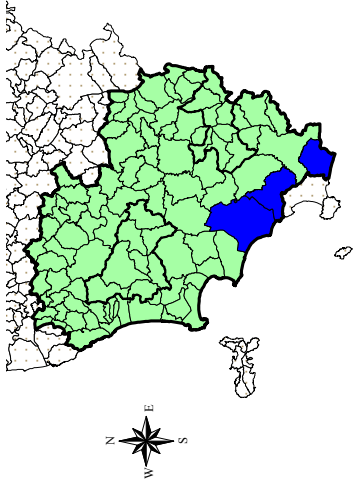


Figura 6.1.12 - Cluster significativi, periodo 2000-2006, rif. area 50 km.

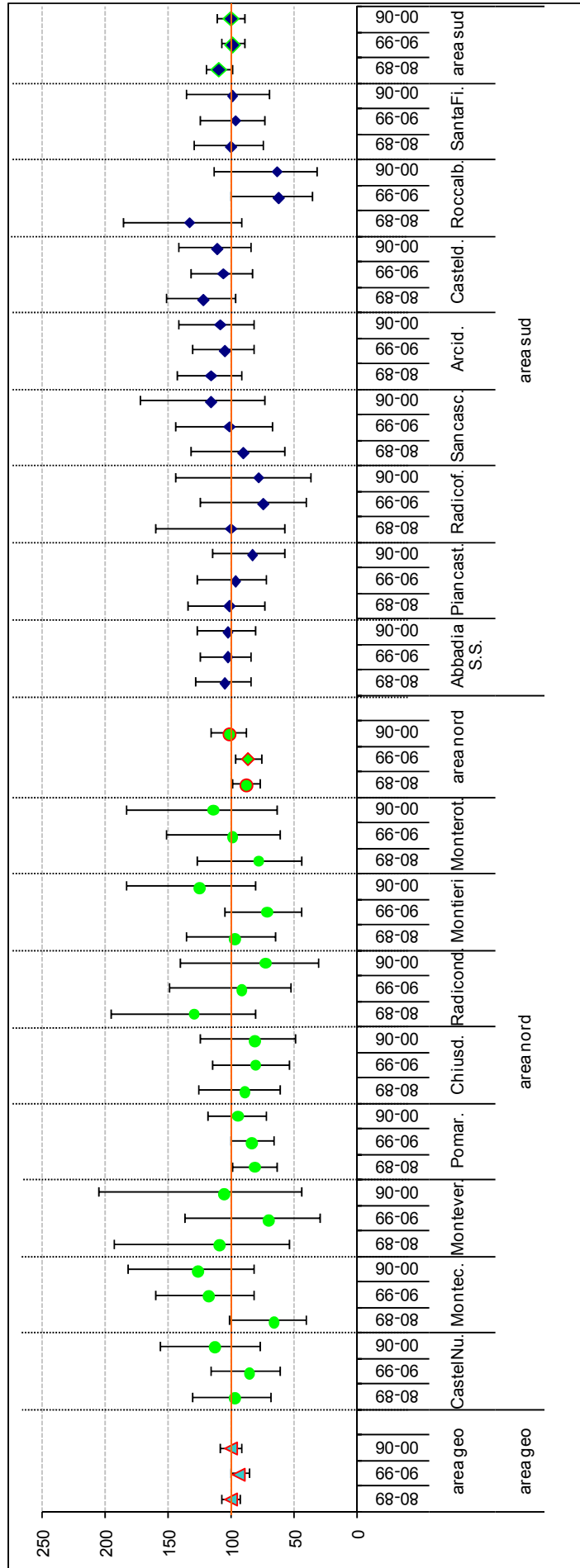


Grafico 6.1.14 - SMR per area/comune in studio e per periodo (1980-1989, 1990-1999, 2000-2006). Rif. area 50 km.

Commento a Tutti i tumori – F (140-239)

La mortalità per tutti i tumori nella regione Toscana decresce negli anni. Nella zona sud da valori più elevati la mortalità si allinea ai valori regionali nell'ultimo periodo. Nella zona nord invece i valori risultano costanti e si allineano ai valori regionali nell'ultimo periodo.

Gli SMR indicano valori intorno alla media regionale nelle due aree, stabili per la zona sud e in crescita per la zona nord.

Tra i singoli comuni non si osservano valori statisticamente significativi. In diversi comuni della zona nord si osservano *trend* in crescita (Montecatini Val di Cecina, Pomarance, Monterotondo Marittimo) ma tali andamenti risultano statisticamente significativi solo a Montecatini Val di Cecina ($p = 0,029$), mentre nella zona sud ciò si riscontra solo nel comune di San Casciano dei Bagni, anche se il *trend* non è statisticamente significativo.

Dalle analisi bayesiane si evidenzia una variabilità della distribuzione spaziale del fenomeno ben strutturata (spiega l'85% della variabilità totale) data da una omogeneità dell'indicatore bayesiano su tutta l'area locale. Il BMR è per la maggior parte dei comuni intorno all'unità. Nessun comune in studio ha il BMR statisticamente significativo.

L'analisi di *clustering* ha messo in evidenza un aggregato di comuni con SMR statisticamente significativo ma tale *cluster* non comprende nessun comune appartenente all'area in studio.